

Programm

Stand 19.11.2009

Nationales Symposium zur Influenzaforschung

Kaiserin-Friedrich-Stiftung, Robert Koch-Platz 7, 10115 Berlin
22. – 24. November 2009

Sonntag, 22.11.2009

ab 15:00 **Registrierung und Posteraufbau**

16:00 **Begrüßung**
Prof. Dr. Jörg Hacker (Präsident, RKI)
Grußworte
Prof. Dr. T. Mettenleiter (Präsident, FLI)
Prof. Dr. J. Löwer (Präsident, PEI)
Prof. Dr. S. Ludwig (Koordinator, FluResearchNet)

16:20 **Keynote**
Prof. Dr. Ab Osterhaus (Erasmus University, Rotterdam)

1. Session: *Epidemiologie und Public Health - I*

17:15 – 18:30

K. Alpers et al.
Aufbau einer Interventionsepidemiologischen Taskforce

U. Buchholz et al.
Bestimmung epidemiologischer Dynamikparameter des pandemischen
Influenzavirus A/H1N1

H. Claus et al.
SurvNet@RKI – Das Meldesystem zum Infektionsschutzgesetz

19 – 22 Uhr **Get-together**
Hörsaal-Ruine, Medizin-Historisches Museum Charite

Montag, 23.11.2009

2. Session: *Epidemiologie und Public Health – II* - Moderation: N.N.

09:00 – 10:20

S. Fereidouni et al.
Molecular epidemiology of avian influenza in wild birds

A. Globig et al.
Monitoring mit Indikatortieren in Gebieten mit hoher Wasservogeldichte

A. Mathey et al.
AI-DB und NEW FLUBIRD-DB – Neue Datenbank und Analysewerkzeuge für
den Aufbau eines Frühwarnnetzwerkes für das Auftreten aviärer
Influenzavirusinfektionen bei Zugvögeln

R. Zell et al.
Untersuchung der Schweineinfluenza-Aktivität in Deutschland

10:20- 10:50 Kaffee-Pause; Posterbesichtigung

3. Session: *Diagnostik* – Moderation: B. Schweiger

10:50 – 12:30

A. Gall et al.
Entwicklung und Einsatz der DNA-Chip-Technologie für eine umfassende
Influenza A-Diagnostik

A. Postel et al.
Neue Methoden zur Detektion aviärer Influenza Viren- real-time RT-LAMP und
serologischer Biochip

T. Letzel et al.
AIV-Nachweise: Sensitive rekombinante Zellkultursysteme

M. Schulze et al.
Entwicklung eines elektrischen BioChips für den Nachweis und die
Differenzierung von Influenza Viren

S. Duwe et al.
Entwicklung schneller Methoden zum Nachweis antiviraler Resistenzen bei
Influenzaviren

12:30 Mittagspause

14:00 **Keynote**
Prof. Dr. Hans-Dieter Klenk (Phillips-Universität Marburg)
Pathogenitätsmechanismen und Wirtsadaptation von Influenzaviren und deren
Relevanz für die Pandemie 2009.

4. Session: *Pathogenese – I* - Moderation: M. Beer, S. Pleschka

14:45 – 16:45

A. Breithaupt et al.
Untersuchungen zur Pathogenese des hämorrhagischen Syndroms und zum
Organtropismus von hochvirulenten H5N1 Isolaten in unterschiedlichen
Spezies

D. Kalthoff et al.
Untersuchungen zur Empfänglichkeit von ausgewählten Vogelspezies und
Säugetieren für das in Deutschland isolierte HPAIV H5N1

O. Stech et al.
Die Einführung einer polybasischen Spaltstelle in ein niedrigpathogenes aviäres H3N8 Virus führt nicht zum hochvirulenten Phänotyp.

J. Bogs et al.
Die Virulenzdeterminanten der H5N1-HPAIV befinden sich sowohl im HA als auch in den anderen viralen Proteinen und liegen schon in niedrigpathogenen H5N1-Stämmen in verdeckter Form vor.

E. Holznagel et al.
Vergleichende H5N1 und H1N1v Pathogenesestudien im Frettchenmodell

V. Weinheimer et al.
Humanpathogene, aviäre und porcine Influenzaviren zeigen deutliche Unterschiede hinsichtlich ihrer Vermehrung in einem humanen ex vivo Lungen-Infektionsmodell

16:45 - 17:15 Kaffeepause; Posterbesichtigung

5. Session: Pathogenese II - Moderation: T. Vahlenkamp, P. Stäheli

17:15 - 19:15

K. Hoegner et al.
Macrophage TRAIL expression is IFN- β -dependent and mediates alveolar epithelial apoptosis and barrier dysfunction in influenza virus pneumonia

E. Pauli et al.
Evading the cytokine burst - Influenza A virus inhibits type I IFN signaling via NF- κ B dependent induction of SOCS-3 expression

M. Matthaei et al.
H5N1 Influenza A Virusisolate aus Vögeln und Menschen stimulieren das humane Typ I Interferonsystem unterschiedlich stark trotz funktioneller NS1 Proteine

B. Mänz et al.
Two strategies – one goal: adaptive mutations in the polymerase of two human H5N1 strains results in different preferences towards transcription and replication but equal pathogenicity in mice

H. Petersen et al.
Vergleichende Charakterisierung von H7-Typ HPAIV-Reassortanten mit einem H5-Typ HPAIV NS-Segment in aviären Trachealringkulturen und in verschiedenen Zellkultur-Systemen.

S. Gohrbandt et al.
Hochpathogene aviäre H5 Viren benötigen neben dem Erwerb der polybasischen Spaltstelle die Anpassung benachbarter Regionen im Hämagglutinin

Ende: ca. 19:15

Dienstag, 24.11.2009

09:00 **Keynote**
Dr. Xavier Saelens (University of Ghent)
A universal influenza A vaccine based on the M2 ectodomain: where do we stand?"

6. Session: Impfstoffe - Moderation: R. Wagner, O. Planz

09:45 – 11:05

R. Dürrwald et al.
Entwicklung eines trivalenten Impfstoffes zur Immunprophylaxe der Schweineinfluenza auf der Basis aktueller Stämme der Subtypen H1N1, H3N2 und H1N2

S. Pavlova et al.
Herstellung und Evaluierung H5 Hämagglutinin und N1 Neuraminidase exprimierender ILTV-Rekombinanten als Lebendvakzinen gegen HPAIV-Infektionen von Hühnern

S. Norley et al.
Schutz gegen homologe und heterologe Belastung nach Immunisierung mit genetischen Multigen-/Multivektor-Impfstoffen basiert auf aviärer H5N1- und porcine H1N1-Influenza

Y. Süzer et al.
Rekombinantes Modifiziertes Vaccinia Virus Ankara (MVA) als Impfstoff gegen H5N1-Infektionen im Frettchen

11:05 Kaffeepause; Posterbesichtigung

7. Session: Antivirale Therapie - Moderation: S. Ludwig

11:30 – 12:30

D. Topf et al.
Vergleichende Untersuchungen zur Oseltamivir-Empfindlichkeit von Influenzavirus A/swine/Potsdam/15/81 in vitro, in der Maus und im Schwein

D. Kugel et al.
Interferons as emergency antiviral agents against highly pathogenic influenza A viruses: efficacy evaluation in animal transmission models

O. Planz et al.
The NF- κ B-inhibitor SC75741 efficiently blocks influenza virus propagation in vitro and in vivo without the tendency to induce resistant virus variants

12:30 **Abschluss-Diskussion**
Perspektiven der Influenzaforschung in Deutschland

13:00 Verabschiedung und Lunch