



Workshop Neglected Diseases

15. Juni 2010 | Berlin

Wissenschaftliche Leitung

Christian Drosten, Universitätsklinikum Bonn

Martin Groschup, Friedrich-Loeffler-Institut, Greifswald-Insel Riems

Stephan Ludwig, Westfälische Wilhelms-Universität Münster

Key-Notes

Rolf Horstmann, Bernhard-Nocht-Institut Hamburg

Sabine Rüsch-Gerdes, Forschungszentrum Borstel

Christian Drosten, Universitätsklinikum Bonn

Projektleiterinnen und Projektleiter
ausgewählter thematischer Nachwuchsgruppen
und Forschungsverbünde

Organisation

Nationale Forschungsplattform für Zoonosen

Gerlinde Benninger | Vanessa Hugo

Veranstaltungsort

Kaiserin-Friedrich-Stiftung, Berlin
Robert-Koch-Platz 7, D-10115 Berlin-Mitte

Registrierung

Es werden keine Teilnahmegebühren erhoben.

www.zoonosen.net

GEFÖRDERT VOM



Bundesministerium
für Bildung
und Forschung

Inhaltsverzeichnis

Grußwort	1
I. Programm	2
II. Nationale Forschungsplattform für Zoonosen	3
III. Kaiserin-Friedrich-Haus	4
IV. Abstracts.....	5
V. Teilnehmer	13
VI. Flyer der Nationalen Forschungsplattform für Zoonosen	18

Grußwort

Weltweit sind übertragbare Erkrankungen eine der häufigsten Todesursachen. Viele dieser Krankheiten sind aufgrund mangelnder Relevanz für die Industriestaaten unzureichend erforscht und werden daher als vernachlässigte Erkrankungen – sogenannte Neglected Diseases – bezeichnet. Laut WHO sind mehr als 2,7 Milliarden Menschen von Neglected Diseases betroffen. Der globale Klimawandel trägt unter anderem mit dazu bei, dass diese Krankheiten verstärkt wieder in Regionen auftreten, in denen sie als bereits eliminiert galten. Das Bundesministerium für Bildung und Forschung unterstützt im Rahmen der Förderprogramme „Erforschung vernachlässigter und armutsassozierter, übertragbarer Erkrankungen“ sowie „Forschungsverbünde zu ausgewählten zoonotischen Infektionskrankheiten“ den Aufbau und Ausbau der Forschungskapazitäten im Forschungsbereich Neglected Diseases.

Die Nationale Forschungsplattform für Zoonosen lädt Sie zu ihrem Workshop „**Neglected Diseases**“ am 15. Juni 2010 in Berlin ein. Ziel des Workshops ist es, den Erfahrungsaustausch der Forschungsgruppen im Themenfeld der Neglected Diseases zu stärken und zu intensivieren. Bei diesem Workshop stellen erfolgreiche Bewerber der oben genannten Förderprogramme die ausgewählten Nachwuchsgruppen und neuen zoonotischen Forschungsverbünde vor.

Weitere Informationen finden Sie unter www.zoonosen.net

Wir freuen uns, Sie in Berlin begrüßen zu dürfen!



The image shows three handwritten signatures in blue ink. From left to right: 1) A signature that appears to be "drosten" in a stylized, cursive font. 2) A signature that appears to be "groschup" in a similar cursive style. 3) A signature that appears to be "Stephan Ludwig" in a more formal, cursive script.

Christian Drosten Martin Groschup Stephan Ludwig

Programm

Programm: Stand 7. Juni 2010

Dienstag, 15. Juni 2010

Eröffnung	Registrierung ab 9.00 Uhr	13.45 Uhr	Untersuchung zum Effekt von antihelminthischer Therapie auf die Immunogenität von Impfungen bei Schulkindern in Gabun Meral Esen, Eberhard Karls Universität Tübingen
10.30 Uhr	Begrüßung Martin Groschup, Friedrich-Loeffler-Institut, Greifswald – Insel Riems	14.15 Uhr	Pause
	Grußwort Joachim Krebser, Bundesministerium für Bildung und Forschung, Berlin	14.45 Uhr	Vorstellung neuer zoonotischer Forschungsverbünde
10.45 Uhr	Forschung zu Neglected Diseases: Übersicht und Beispiele Rolf Horstmann, Bernhard-Nocht-Institut Hamburg	15.15 Uhr	Erfahrungen aus den zoonotischen Forschungsverbünden: Das Beispiel des Verbunds »SARS - Ökologie und Pathogenese einer archetypischen Zoonose« Christian Drosten, Verbundkoordinator SARS Universitätsklinikum Bonn
11.15 Uhr	Tuberkulose - Ein erfolgreicher Begleiter der Menschheit Elvira Richter, Forschungszentrum Borstel	15.45 Uhr	VibrioNet: Vibrio-Infektionen durch Lebensmittel und Meerwasser in Zeiten des Klimawandels Eckhard Strauch, Bundesinstitut für Risikobewertung (BfR), Berlin
Vorstellung der Nachwuchsgruppen			
11.45 Uhr	»Single Tube« Test zur simultanen Detektion von parasitären Mehrfachinfektionen mittels Durchfluss-Zytometrie Andrea Kreidenweiss, Eberhard Karls Universität Tübingen	16.15 Uhr	Lyssaviren – eine potentielle Gesundheitsgefahr Thomas Müller, Friedrich-Loeffler-Institut (FLI), Wusterhausen
12.15 Uhr	Pause	16.30 Uhr	Vorstellung der Nationalen Forschungsplattform für Zoonosen Gerlinde Benninger & Anke Wiethölter, Nationale Forschungsplattform für Zoonosen
13.15 Uhr	Die Wirkung von Ko-Infektionen mit Parasiten (Necatoriasis, Schistosomiasis, Amoebiasis) auf die Immunreakтивität bei Kindern, Erwachsenen und älteren Personen David Hamm, Universität Leipzig	17.00 Uhr	Zusammenfassung, Planung weiterer Aktivitäten, Abschlussdiskussion
			Ende der Veranstaltung

II. Nationale Forschungsplattform für Zoonosen

Infektionskrankheiten gehören nach Angaben der Weltgesundheitsorganisation WHO zu den weltweit häufigsten Todesursachen für Menschen. Etwa zwei Drittel aller Infektionskrankheiten sind so genannte Zoonosen: sie werden von Erregern verursacht, die wechselseitig zwischen Tieren und Menschen übertragen werden können. Bei neu auftretenden Krankheiten – »emerging diseases« – liegt der Anteil der Zoonosen gar bei 75 Prozent. Die wirksame Bekämpfung zoonotischer Infektionskrankheiten erfordert die enge Vernetzung von Infektionsbiologen, Human- und Veterinärmedizinern. Diese Zusammenarbeit unterstützt die 2009 gegründete Nationale Forschungsplattform für Zoonosen. Sie beruht auf der im März 2006 zwischen den Bundesministerien für Bildung und Forschung (BMBF), für Gesundheit (BMG) und für Ernährung, Landwirtschaft und Verbraucherschutz (BMELV) getroffenen Forschungsvereinbarung zu Zoonosen.

Ziel der Zoonosenplattform ist es, ein umfangreiches Informations- und Servicenetzwerk aufzubauen. Durch den verstärkten Erfahrungsaustausch werden schnelle, funktionsfähige Lösungen zur Erforschung, Prävention und Bekämpfung von Zoonosen entwickelt.

Geschäftsstelle der Nationalen Forschungsplattform für Zoonosen

Standort Berlin

c/o TMF – Technologie- u.
Methodenplattform für die vernetzte
medizinische Forschung e.V.
Neustädtische Kirchstraße 6, 10117 Berlin

Standort Greifswald - Insel Riems

c/o Friedrich-Loeffler-Institut,
Bundesforschungsinstitut für
Tiergesundheit
Institut für Neue und Neuartige
Tierseuchenerreger (INNT)
Südufer 10, 17493 Greifswald-Insel Riems

Standort Münster

c/o Institut für Molekulare Virologie (IMV)
Zentrum für Molekularbiologie der
Entzündung (ZMBE)
Westfälische Wilhelms-Universität Münster
Von-Esmarch-Str. 56, 48149 Münster

Organisation der Veranstaltung

Nationale Forschungsplattform für Zoonosen – Standort Münster

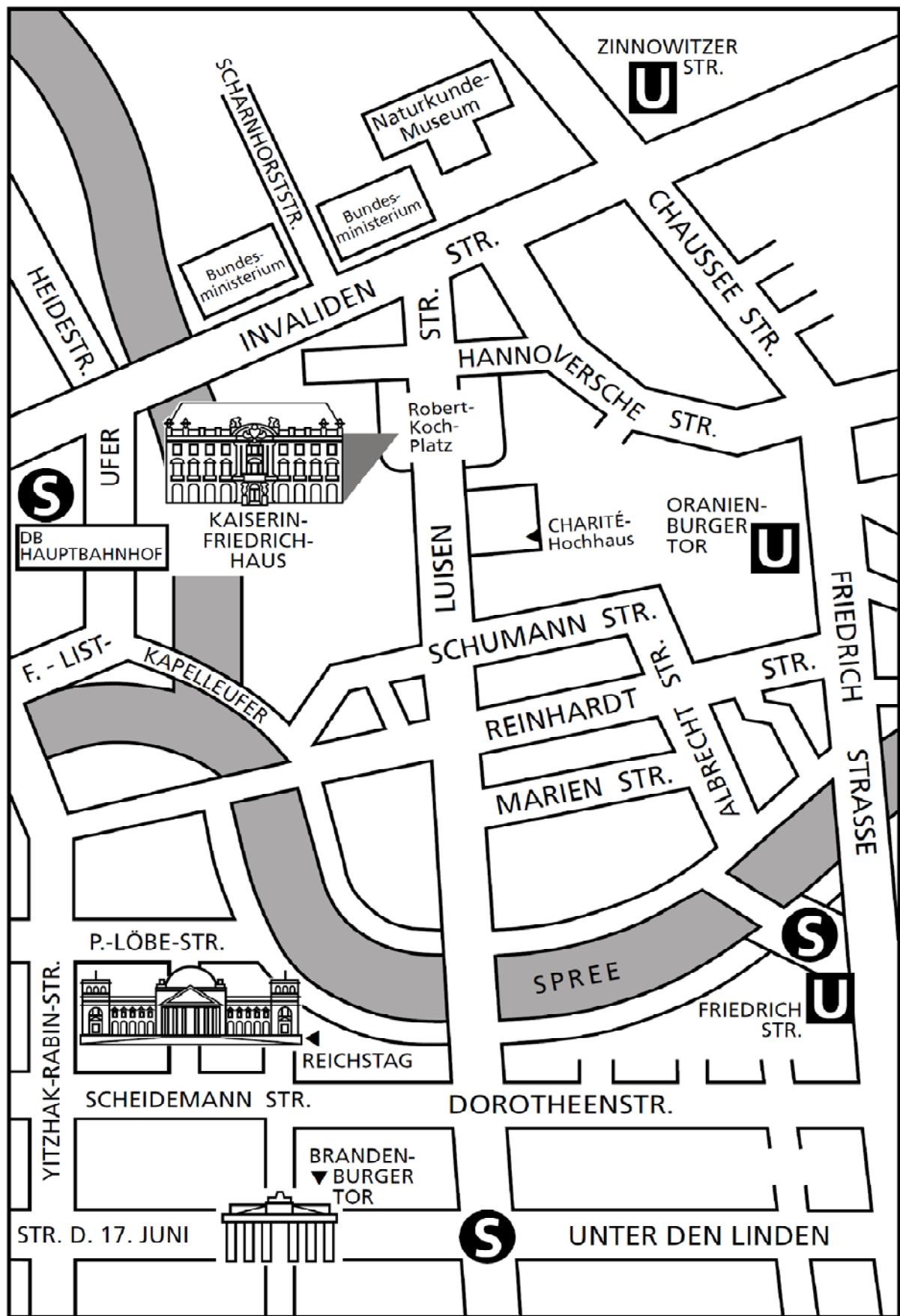
Dr. Gerlinde Benninger

Tel.: +49 (0)2 51 – 83 530 11
E-Mail: benninge@ukmuenster.de

Vanessa Hugo

Tel.: +49 (0)2 51 – 83 530 13
E-Mail: Vanessa.Hugo@ukmuenster.de

III. Veranstaltungsort: Kaiserin-Friedrich-Haus



IV. Abstracts

Detection of polyparasitic infections: a single tube assay for flow cytometry

Andrea Kreidenweiss

University of Tübingen, Institute of Tropical Medicine, Wilhelmstraße 27, 72074 Tübingen, Germany

Polyparasitism is wide spread in the African population and has a strong impact on public health. Nevertheless its health and immunological effect has neither been sufficiently investigated in research nor adequately considered in patient care. A broad range of detection methods, appropriate equipment and well trained medical personnel are necessary – prerequisites rarely met in poor countries. Nonetheless treatment should affect all patients' parasite species and polyparasitism should be considered in vaccine development as concomitant parasites can modulate e.g. the immunogenicity of malaria and TB vaccines. Thus, a simple, sensitive and specific assay is needed which allows simultaneous detection of multiple parasite species with convenient handling in daily hospital routine serving huge patient numbers and simple access on multiple parasite species in infectious disease research topics.

Therefore, we want to establish a simple assay for simultaneous detection of multiple parasitic infections in a single tube. The single tube assay (STA) is based on the novel *cytometric bead array* technology. This is a sandwich immunoassay approach where parasite-specific analytes are captured by antigen/antibody coated polystyrene beads and analysed by flow cytometry. Due to colour-coding, parasite-specific beads can be multiplexed and multiple parasite species are detected in a single patient sample (e.g. serum) of little volume.

The assay will be established at the ITM in Tübingen for detection of schistosome and malaria parasite co-infection in blood samples and will be further expanded towards concomitant soil-transmitted helminths. The STA will be validated in comparison to standard diagnostic procedures At the Medical Research unit of the Albert Schweitzer Hospital in Lambaréné/Gabon. Studies will assess its suitability in routine clinical diagnosis, anti-parasitic therapy surveys, epidemiological studies of polyparasitism, and vaccine clinical trials. The technology will be transferred to and implemented at the Onchocerciasis Reference Laboratory at the Centre Hospitalier Régional in Sokodé/ Togo.

The impact of poly-parasite infections (necatoriasis, schistosomiasis, amoebiasis) on immune competence in children, adults and elderly patients

David M. Hamm

University of Leipzig, Otto-Schill-Straße 2, 04109 Leipzig, Germany

Previous works have shown that poly-parasite helminth and protozoa infections are very common in children and adults in rural Togo, Africa, where more than 30% of school-age children are infected with three or more parasite species, notably intestinal helminths, schistosomes and amoebas.

The proposed research is aimed (**Objective 1**) at determining the deleterious impact of poly-parasite infections (necatoriasis, schistosomiasis and amoebiasis) in children, adults and elderly patients on mediators of innate and adaptive immune reactivity, chemokine and cytokine responses, notably their strength and profiles (designated the "immune signature") and how therapeutic intervention and parasite clearance may change the immune signature. This research will determine (**Objective 2**) whether poly-parasitism impacts on basic molecular and cellular mechanisms and parameters underlying immune competence. Gene expression analysis by micro array will focus on molecules involved in antigen presentation, immune activation, and immune regulatory and inflammatory cytokines and chemokines.

The proposed research project will strengthen and intensify existing research collaboration and partnership between the Institute for Tropical Medicine at University Clinics of Tübingen, Germany, the National Institute of Hygiene and the Medical Faculty at University of Lomé in Togo. A partnership convention has been established in 2008 between the collaborators and ongoing activities confirm the existant long-lasting collaboration.

Effect of antihelminthic treatment on vaccine immunogenicity in a population with a high prevalence of geohelminth infections

Meral Esen

Institute of Tropical Medicine, Wilhelmstraße 27, 72074 Tübingen, Germany

Selidji Agnandji, Medical Research Unit, Albert Schweitzer Hospital, Lambaréne, Gabon

Infection with geohelminths is a major public health problem affecting 20% of the world population. As access to public health programs is widely lacking, geohelminthiasis is considered by the World Health Organisation (WHO) as one of the 13 most neglected tropical diseases with serious health, nutritional and social outcomes for affected individuals. Furthermore immunity changes upon infection with geohelminths. Immunisation programs for infants are well implemented in areas where geohelminth infections are common and this infrastructure is the basis for the testing and future implementation of new vaccines for poverty related diseases such as malaria. Little is known about the interaction of geohelminth infections and immune responses against vaccine antigens. Pilot studies from Gabon have shown that presence of geohelminths significantly reduce immune responses against an experimental vaccine candidate. Therefore in this study we selected three vaccines of different classes to assess immunogenicity in school children pre-treated with antihelminthic treatment or placebo before each vaccination to discover the effect of pre-treatment on immune responses to vaccine antigens. These investigations are important because they may change the vaccination policy in a population with a high prevalence of geohelminth infection.

Climate warming and the emergence of seafood- and waterborne vibrioses

Interdisciplinary Research Network VibrioNet

Eckhard Strauch, Bundesinstitut für Risikobewertung, Federal Institute for Risk Assessment, Berlin, Germany

Projektpartner:

- 1) Dr. Gunnar Gerdts, Alfred-Wegener-Institute for Polar and Marine Research, D-27483 Helgoland
- 2) Prof. Dr. Thomas Alter, FU Berlin, D-14163 Berlin
- 3) Dr. Carsten Matz, Helmholtz Centre for Infection Research, D-38124 Braunschweig
- 4) Dr./UMB Christina Frank, Robert Koch-Institut, 13086 Berlin
- 5) Frau Dr. Edda Bartelt, Niedersächsisches Landesamt für Verbraucherschutz und Lebensmittelsicherheit (LAVES), D-27472 Cuxhaven
- 6) Prof. Dr. med. Florian Gunzer, Medizinische Fakultät der TU Dresden, D-01307 Dresden
- 7) Dr. Boris Oberheitmann, Dr. Urs Hobom, Q-Bioanalytic GmbH, D-27572 Bremerhaven

The number of infections caused by pathogenic *Vibrio* spp. worldwide has steadily increased in recent years. *Vibrio* spp. are ubiquitous Gram-negative bacteria found naturally in marine and estuarine waters, including aquaculture settings. They are a leading cause of seafood-borne bacterial illness. Increasing incidence of vibrioses in marine animals and humans has been linked to rising seawater temperature due to global warming and the growing global trade of seafood. In order to improve our understanding of climate-driven changes of incidences of vibrioses and to assess the risk for the German population, it requires (i) a systematic surveillance programme for non-cholera *Vibrio* illnesses, (ii) standardized, validated, fit-for-purpose methodologies, (iii) experimental data on the molecular determinants of host-specific pathogenicity and transmission, and (iv) environmental data on the population dynamics and virulence characteristics of these pathogens.

VibrioNet will jointly address these issues by bringing together expert researchers of marine ecology, infectious diseases, veterinary and human medicine, as well as governmental institutions and the food industry. Central to the research network will be the interaction with scientists from Asian and South American countries with a high incidence of *Vibrio* infections. A major focus of the network program will be on the systematic assessment of *Vibrio* spp. pathogenic to humans in environment, seafood and disease, particularly their prevalence in bivalve molluscs from natural and retail sources and in seasonal cases of human

gastroenteritis and wound infections in Germany. Another focus of VibrioNet will be the study of strain-specific toxin production and adaptations to invade host tissues in bivalve and mammalian infection models, with special reference to temperature-driven processes. Cross-sectional activities include a centralized strain collection and the development of standardized molecular techniques for the rapid detection of pathogenic *Vibrio* spp. using PCR and mass spectrometry. We believe that the overall concept of VibrioNet will fill an evident gap in the research activities on zoonotic diseases in Germany and will yield a sustainable framework that will significantly strengthen German vibrioses research for the future.

Lyssaviruses – a potential re-emerging public health threat

Müller T¹, Freuling C¹, Finke S², Conzelmann KK³, Vos A⁴, Höper D², Köllner B², Drosten C⁵, Ross S⁶, Hoffmann B², Beer M²

- 1) Friedrich-Loeffler-Institut, Federal Research Institute for Animal Health, WHO Collaborating Centre for Rabies Surveillance and Research, D-16868 Wusterhausen
- 2) Friedrich-Loeffler-Institut), Federal Research Institute for Animal Health, D-17493 Greifswald - Insel Riems
- 3) Max-von-Pettenkofer Institut, D-81377 München
- 4) IDT-Biologika GmbH (IDT), D-06861 Dessau-Rosslau
- 5) Institute of Virology, University of Bonn, D-53105 Bonn
- 6) Institute of Virology, University of Duisburg-Essen, National Advisory Laboratory for Rabies, D-45122 Essen

Rabies is an acute, progressive and incurable viral encephalitis caused by negative strand RNA viruses of the *Lyssavirus* genus, family *Rhabdoviridae* of the *Mononegavirales* order that is transmitted following bites of infected mammals. The recognized etiological agents are classified into 12 proposed *Lyssavirus* species also referred to as genotypes. Genotype 1 corresponds to the classical rabies virus (RABV) whereas the other genotypes are represented by Lagos bat virus (LBV, 2), Mokola virus (MOKV, 3), Duvenhage virus (DUVV, 4), European bat lyssavirus 1 (EBLV-1, 5); European bat lyssa-virus 2 (EBLV-2, 6); Australian bat lyssavirus (ABLV, 7), Aravan virus (ARAV), Khujand virus (KHUV), Irkut virus (IRKV) and West Caucasian bat virus (WCBV). A novel putative member of the *Lyssavirus* genus, the Shimoni bat virus, awaits further taxonomic classification. This plethora of viral variants maintained by a diversity of abundant hosts with carnivores and bats as the main reservoirs, presents a challenge to disease eradication.

Classical rabies, the oldest known zoonotic disease of mankind, is still significantly underreported throughout the world and fulfills truly the criteria of WHO applicable to neglected diseases. Therefore, the disease poses still a serious public health threat especially in developing countries in the 21st century. Dog rabies is responsible for millions of suspect human exposures with an estimated 55,000 human rabies deaths annually. A neglected disease of poverty, classical rabies especially affects underprivileged communities in developing countries. Children less than 15 years of age are especially vulnerable to rabies and 30 to 50% of rabies deaths occur in this age group. Conservative estimates indicate the annual reduction of disease-adjusted life years (DALY) due to rabies to be at least 1.74

million, exceeding those of other zoonotic diseases. Although the lyssavirus reservoir in its entire complexity – including mesocarnivores & chiroptera - is cryptical yet, the ecology of rabies provides prototypic insights into origins of emerging bat-associated viral diseases. The lyssavirus research project comprising 9 individual projects from 6 different national institutions uses a hypothesis-driven approach focusing on lyssavirus dynamics and maintenance, virus evolution and diversity, as well as host biology, to afford a significant progress in neglected zoonotic disease prediction and intervention. Understanding natural reservoirs and sources of lyssaviruses as well as the mechanisms these viruses have developed to spill over into non-reservoir species including humans are essential for decision-making and preventive work in the public health sector. A concerted research effort therefore necessary using proven surveillance strategies, sophisticated and novel diagnostic methods as well as *in-vitro* and *in-vivo* disease models. Technology transfer to countries where rabies is endemic will help to improve surveillance, diagnosis and effective control measures in the global fight against rabies.

V. Teilnehmer

A

Katharina Achazi
Robert Koch-Institut
achazik@rki.de

Prof. Thomas Alter
Institut für Lebensmittelhygiene, FU Berlin
alter.thomas@fu-berlin.de

Prof. Dr. Bernd Appel
Bundesinstitut für Risikobewertung
bernd.appel@bfr.bund.de

B

Dr. Gerlinde Benninger
Nationale Forschungsplattform für
Zoonosen
benninge@ukmuenster.de

D

Dr. Ralf Dieckmann
Bundesinstitut für Risikobewertung
ralf.dieckmann@bfr.bund.de

Prof. Dr. Christian Drosten
Universitätsklinikum Bonn Institut für
Virologie
drosten@virology-bonn.de

E

Dr. Meral Esen
Universität Tübingen Institut für
Tropenmedizin
meral.esen@uni-tuebingen.de

F

PD Dr. Stefan Finke
Friedrich Loeffler-Institut
stefan.finke@fli.bund.de

Dr. Christina Frank
Robert Koch-Institut
frankc@rki.de

Dr. Conrad Freuling
Friedrich-Loeffler-Institut
Conrad.Freuling@fli.bund.de

G

Prof. Dr. Ralph Goethe
Tierärztliche Hochschule
ralph.goethe@taho-hannover.de

Dr. Elvira Gottardi
BMBF, Referat 615
elvira.gottardi@bmbf.bund.de

Prof. Dr. Martin Groschup
Friedrich-Loeffler-Institut
martin.groschup@fli.bund.de

Prof. Dr. med. Florian Gunzer
Institut für Medizinische Mikrobiologie,
TU Dresden
florian.gunzer@tu-dresden.de

H

Lea-Maxie Haag
Charité - Mikrobiologie
lea-maxie.haag@charite.de

Peter Hagedorn
Robert Koch-Institut
hagedornp@rki.de

Dr. David Hamm
Universität Leipzig
hamm@rz.uni-leipzig.de

Dirk Höper
Friedrich Loeffler-Institut
dirk.hooper@fli.bund.de

Prof. Dr. Rolf Horstmann
Bernhard Nocht Institute for Tropical
Medicine
horstmann@bnitm.de

Vanessa Hugo
Nationale Forschungsplattform für
Zoonosen
Vanessa.Hugo@ukmuenster.de

J
Dr. Paweł Janczyk
Bundesinstitut für Risikobewertung
pawel.janczyk@bfr.bund.de

PD Dr. Barbara Junker
Projektträger im Deutschen Zentrum für
Luft- und Raumfahrt e.V.
Gesundheitsforschung
Barbara.Junker@dlr.de

K
Dr. Marion Kaspari
Bundesamt f. Verbraucherschutz und
Lebensmittelsicherheit
Marion.kaspari@bvl.bund.de

Eva Knoop
Bundesinstitut für Risikobewertung
Eva.Knoop@bfr.bund.de

Dr. Claudia Kohl
Robert Koch-Institut
kohlc@rki.de

Dr. Bernd Köllner
Friedrich-Loeffler-Institut Insel Riems
bernd koellner@fli.bund.de

Dr. Ursula Kopp
Projektträger im DLR
Gesundheitsforschung
Ursula.kopp@dlr.de

Franziska Kozakiewicz
IDT Biologika GmbH
franziska.kozakiewicz@idt-biologika.de

Lena Krayter
Institut für Mikrobiologie und Hygiene,
Charité
lena.krayter@charite.de

Joachim Krebser
Bundesministerium für Bildung und
Forschung
'joachim.krebser@bmbf.bund.de'

Dr. Andrea Kreidenweiss
Universität Tübingen Institut für
Tropenmedizin
andrea.kreidenweiss@medizin.uni-tuebingen.de

L
René Lesnik
Robert Koch-Institut, Berlin
Lesnikr@rki.de

Dr. Klaus Lorenz
Bundesamt für Verbraucherschutz und
Lebensmittelsicherheit (BVL)
klaus.lorenz@bvl.bund.de

Prof. Dr. Stephan Ludwig
Westfälische Wilhelms-Universität Institut
für Molekulare Virologie
Ludwigs@uni-muenster.de

M
Dr. Carsten Matz
Helmholtz-Zentrum für
Infektionsforschung
carsten.matz@helmholtz-hzi.de

Aymen Meddeb
Charité Universitätsmedizin
aymenmeddeb@gmail.com

Dr. Thomas Müller
Friedrich-Loeffler-Institut, Wusterhausen
Thomas.Mueller@fli.bund.de

N

Dr. Isabella Napoli
Projektträger im Deutschen Zentrum für
Luft- und Raumfahrt e.V.
Isabella.Napoli@dlr.de
Prof. Matthias Niedrig
Robert Koch Institut
niedrigm@rki.de

Dr. Karsten Nöckler
Bundesinstitut für Risikobewertung
karsten.noeckler@bfr.bund.de
Bettina Otto
Charité - Mikrobiologie
bettina.otto@charite.de

P

Ravish Paliwal
Robert Koch-Institut
PaliwalR@rki.de

R

Julia Rappenecker
UAEM Berlin
julia-regina.rappenecker@charite.de

Prof. Axel Rethwilm
Institut für Virologie und Immunbiologie,
Univ. Würzburg
virologie@vim.uni-wuerzburg.de

PD Dr. Elvira Richter
Forschungszentrum Borstel Nationales
Referenzzentrum für Mykobakterien
erichter@fz-borstel.de

Prof. Dr. Uwe Rösler
Freie Universität Berlin, Institut für Tier-
und Umwelthygiene
roesler.uwe@vetmed.fu-berlin.de

Dia Roy-Chowdhury
Robert Koch-Institut
proychowdhury@rki.de

S

Dr. Birgit Schönig
Bundesamt für Verbraucherschutz und
Lebensmittelsicherheit
birgit.schoenig@bvl.bund.de
Yesica Magali Schulze
Robert Koch Institut Berlin
schulzey@rki.de

Torsten Semmler
FU-Berlin, Institut für Mikrobiologie, FB
Veterinärmedizin
semmler.torsten@vetmed.fu-berlin.de

Olivia Stark
Institut für Mikrobiologie und Hygiene,
Charité
olivia.stark@charite.de

Nina Stock
Robert Koch-Institut
stockn@rki.de

Dr. Eckhard Strauch
Bundesinstitut für Risikobewertung (BfR)
eckhard.strauch@bfr.bund.de

Dr. Thomas Strecker
Institut für Virologie der Philipps-
Universität Marburg
strecker@staff.uni-marburg.de

T

Dr. Peter Tinnemann
Charité Universitätsmedizin Berlin
Peter.Tinnemann@charite.de

Dr. Karsten Tischer
Institut f. Virologie, FU Berlin
k.tischer@fu-berlin.de

U

PD Dr. Rainer G. Ulrich
Friedrich-Loeffler-Institut
rainer.ulrich@fli.bund.de

W

Dr. Anke Wiethölter
Nationale Forschungsplattform für
Zoonosen
anke.wiethoelter@fli.bund.de

Y

Chao Yu
Robert Koch Institute
yuc@rki.de

Z

Dr. Janine Zahlten
Charité-Universitätsmedizin Berlin, Med.
Klinik m.S: Infektiologie und Pneumologie
Janine.Zahlten@charite.de



Mitglied werden

Alle Wissenschaftlerinnen und Wissenschaftler in Deutschland, die öffentlich gefördert im Bereich Zoonosen forschen, können Mitglieder der Nationalen Forschungsplattform für Zoonosen werden. Eine Registrierung ist unter www.zoonosen.net kostenfrei möglich.

Mitglieder profitieren von folgenden Angeboten:

- Einladungen zu allen Veranstaltungen der Zoonosenplattform
- Nutzung von Projektergebnissen der Zoonosenplattform
- Zugang zum Datenbankinternetportal
- Zugriff auf Informationen über deutsche und europäische Förderermöglichkeiten
- Unterstützung beim Aufbau von Netzwerken und Konsortien
- Durchführung von Projekten unter dem Dach der Zoonosenplattform
- Aktives und passives Wahlrecht für den internen Beirat

Die Zoonosenplattform ist ein durch Satzung gebundener Zusammenschluss von Wissenschaftlerinnen und Wissenschaftlern, die im Bereich der Zoonosen an universitären und außeruniversitären Forschungseinrichtungen in Deutschland forschen.



Geschäftsstelle der Nationalen Forschungsplattform für Zoonosen

Standort Berlin
c/o TMF e.V.
Tel.: 030 – 31 01 19 72

Standort Münster
c/o Westfälische Wilhelms-Universität Münster
Tel.: 0251 – 835 30 11

Standort Greifswald - Insel Riems
c/o Friedrich-Loeffler-Institut
Tel.: 038351 – 7 145

Zentrale Kontaktadresse:
Nationale Forschungsplattform für Zoonosen
Neustädtische Kirchstraße 6
10117 Berlin
Tel.: 030 – 31 01 19 70
E-Mail: info@zoonosen.net

www.zoonosen.net

Forschen im Netzwerk – Zoonosen verstehen



Nationale Forschungsplattform für Zoonosen

Infektionskrankheiten gehören nach Angaben der Weltgesundheitsorganisation WHO zu den weltweit häufigsten Todesursachen für Menschen. Etwa zwei Drittel aller Infektionskrankheiten sind so genannte Zoonosen: sie werden von Erregern verursacht, die wechselseitig zwischen Tieren und Menschen übertragen werden können. Bei neu auftretenden Krankheiten – »emerging diseases« – liegt der Anteil der Zoonosen gar bei 75 Prozent.

Die wirksame Bekämpfung zoonotischer Infektionskrankheiten erfordert die enge Vernetzung von Infektionsbiologen, Human- und Veterinärmedizinern. Diese Zusammenarbeit unterstützt die 2009 gegründete Nationale Forschungsplattform für Zoonosen. Sie beruht auf der im März 2006 zwischen den Bundesministerien für Bildung und Forschung (BMBF), für Gesundheit (BMG) und für Ernährung, Landwirtschaft und Verbraucherschutz (BMELV) getroffenen Forschungsvereinbarung zu Zoonosen.

Ziele

Ziel der Zoonosenplattform ist es, ein Informations- und Servicenetzwerk aufzubauen. Durch den verstärkten Erfahrungsaustausch werden schnelle, funktionsfähige Lösungen zur Erforschung, Prävention und Bekämpfung von Zoonosen entwickelt.

Aufgaben auf einen Blick

Veranstaltungen

Die Zoonosenplattform veranstaltet jährlich das Nationale Symposium für Zoonosenforschung und themenspezifische Workshops, die dem Informations- und Erfahrungsaustausch dienen. Im Mittelpunkt stehen hierbei erreger-, methoden- oder fachgebietsübergreifende Themenkomplexe der Zoonosenforschung.

Registrierung, Harmonisierung und Standardisierung vorhandener Ressourcen im Datenbankinternetportal

Das Datenbankinternetportal ermöglicht in verschiedenen Rubriken die Suche nach Informationen rund um die Zoonosenforschung in Deutschland. Mitglieder können dort gezielt nach Ansprechpartnern, Experten und neuen Kooperationspartnern, Forschungsinstituten, laufenden Zoonosenforschungsvorhaben, vorhandenen Proben- sammlungen und Zellkulturen suchen.

Forschungsförderung

Die Zoonosenplattform bereitet aktuelle Förderinformationen auf und stellt sie gezielt ihren Mitgliedern zur Verfügung. Zur Anbahnung und Durchführung von nationalen und internationalen Verbundprojekten steht eine Management- Einheit zur Verfügung. Dadurch gibt die Zoonosenplattform Impulse für eine verstärkte, interdisziplinäre Zusammenarbeit in der Zoonosenforschung.

Initiierung und Durchführung von Pilot- und Querschnittsprojekten

Über die Zoonosenplattform können innovative Pilotprojekte oder vernetzende Querschnittsprojekte beantragt werden. Das BMBF stellt hierfür 1,5 Millionen Euro für die erste Förderphase zur Verfügung. Die Zoonosenplattform begleitet diese Projekte von der Antragsstellung an und unterstützt sie bei der Durchführung und nachhaltigen Nutzung.

Wissenstransfer

Die Zoonosenplattform arbeitet Informationen zu zoonotischen Infektionskrankheiten auf und stellt diese sowohl für das Fachpublikum als auch für die interessierte Öffentlichkeit bereit.